

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
A/H5N1-Virus (Vogelgrippe)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bacillus anthracis (Milzbrand)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bordetella pertussis (Pertussis)	1	0	11	5	19	75	10	0	7	128	1
Borrelia recurrentis (Rückfallfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Brucella spp. (Brucellose)	0	1	0	1	0	0	1	0	3	6	0
Burkholderia mallei (Malleus)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Campylobakter spp., darmpathogen (Campylobakteriose)	292	272	1065	1088	560	708	738	335	961	6019	4
Chikungunyavirus (Chikungunya)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Chlamydia trachomatis (Trachom)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Chlamydomphila psittaci (Psittakose)	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	0
Clostridium botulinum (Botulismus)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
Clostridium difficile (CDI) (a)	38	8	138	4	24	52	16	1	290	571	17
Denguevirus (Denguefieber, hämorrhagisches)	0	0	1	1	0	1	1	0	1	5	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
Denguefieber und Dengue-Schock-Syndrom (DSS))											
Diphtherie-Toxin bildendes Corynebacterium diphtheriae, ulcerans, pseudotuberculosis (Diphtherie)	0	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0
Ebolavirus (Ebolafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Echinococcus granulosus (Echinococcose durch Hundebandwurm)	0	1	7	3	2	1	1	3	12	30	0
Echinococcus multilocularis (Echinococcose durch Fuchsbandwurm)	0	0	0	1	3	1	3	1	3	12	0
Entamoeba histolytica (Amoebiasis)	0	0	0	0	1	0	1	0	3	5	0
Enterotoxin bildender Staphylokokkus aureus (Lebensmittelbedingte Intoxikation)	1	0	4	0	0	0	0	0	0	5	0
Francisella tularensis (Tularämie)	2	1	11	29	7	1	3	2	2	58	0
Frühsommer-Meningoenzephalitis Virus (FSME)	0	5	12	54	18	15	24	6	1	135	0
Gelbfieberevirus (Gelbfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Haemophilus influenzae, invasiv (IHE)	2	0	4	10	3	2	2	2	6	31	6

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
Hantavirus (Hantavirus-Erkrankung; beinhaltete jede Form der klinischen Manifestation)	19	10	3	2	4	191	0	1	3	233	2
Hepatitis-A-Virus (Hepatitis A)	0	1	5	8	5	3	4	2	4	32	0
Hepatitis-B-Virus (Hepatitis B) (c)	14	27	167	112	46	134	44	43	402	989	4
Hepatitis-C-Virus (Hepatitis C) (d)	15	51	164	85	48	146	46	46	253	854	9
Hepatitis-D-Virus (Hepatitis D)	0	0	1	0	0	1	0	0	5	7	0
Hepatitis-E-Virus (Hepatitis E)	3	1	15	13	3	14	2	3	7	61	0
Krim Kongo Virus (Krim Kongo Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Lassavirus (Lassafieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Legionella spp. (Legionellose)	9	21	35	35	14	34	52	20	58	278	16
Leptospira interrogans (Leptospirose)	0	0	1	3	3	4	0	2	2	15	2
Listeria monocytogenes (Listeriose)	0	4	5	2	4	7	5	2	9	38	7
Marburgvirus (Marburgfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
Masernvirus (Masern)	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0
Middle East Respiratory Syndrome Coronavirus (MERS-CoV)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium leprae (Lepra)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Mycobacterium tuberculosis complex (Tuberkulose) (e)	7	17	62	66	25	37	29	20	133	396	34
Neisseria meningitidis, invasiv (IME)	0	0	0	0	0	1	1	0	0	2	0
Plasmodium spp. (Malaria)	0	0	3	6	3	2	8	0	15	37	0
Poliovirus (Poliomyelitis)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rabiesvirus, Lyssavirus (Tollwut)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rickettsia prowazekii (Fleckfieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Rubella-Virus (Röteln)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Salmonella Paratyphi (Paratyphus)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
Salmonella spp. andere als Salmonella Typhi/ Salmonella Paratyphi (Salmonellose)	40	33	191	176	77	135	81	38	222	993	2

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
Salmonella Typhi (Typhus abdominalis)	0	0	0	1	0	0	0	0	3	4	0
SARS-Coronavirus (SARS)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
SARS-CoV-2 (Covid 19)	22861	62600	162407	187974	76785	110232	81647	43755	167496	915757	8027
Shigatoxin/Verotoxin bildende E. coli (STEC/VTEC)	2	19	36	104	75	28	29	33	57	383	5
Shigella spp. (Shigellose)	2	1	6	4	4	4	5	2	11	39	0
Streptococcus pneumoniae, invasiv (IPE)	15	21	62	73	36	42	27	19	105	400	29
Humane Transmissible spongiforme Enzephalopathien (sCJD, gCJD, erworbene CJD) (f)	1	6	9	7	1	5	2	0	6	37	37
Trichinella spiralis (Trichinose)	1	0	2	1	0	0	0	0	6	10	0
Variola Virus (Pocken)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Vibrio cholerae (Cholera)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
West-Nil Virus (West Nil Fieber)	0	0	0	0	0	0	0	0	4	4	0
Yersinia enterocolitica (Yersiniose) (g)	3	12	11	32	2	22	13	5	38	138	0

Erreger der meldepflichtigen Infektion/Intoxikation	Burgenland	Kärnten	Niederösterreich	Oberösterreich	Salzburg	Steiermark	Tirol	Vorarlberg	Wien	Erkrankungen gesamt Ö, 2021	Ausgang Tod* Ö, 2021
Yersinia pestis (Pest)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Zikavirus (Zika-Virus Infektion)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Sonstiges											
Bissverletzung	0	15	0	0	0	0	4	0	11	30	0
Sonstige darmpathogene E. coli Stämme (E.coli Enteritis)	3	0	79	5	0	0	0	4	13	104	1
Norovirus (Norovirus-Gastroenteritis) (h)	73	5	253	176	16	228	189	115	267	1322	2
Rotavirus (Rotavirus-Gastroenteritis)	1	0	24	32	0	38	7	15	32	149	0
sonstige invasive bakterielle Erkrankung (Meningitis, Sepsis)	1	3	14	1	0	2	0	0	10	31	8
sonstige virusbedingte Meningoencephalitis	4	17	27	9	1	16	8	3	12	97	0
S. agalactiae (Streptokokkenmeningitis Gruppe B bei Neugeborenen)	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0
sonstige bakterielle Lebensmittelvergiftung	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
sonstige virale Lebensmittelvergiftung	1	0	50	0	0	12	0	0	55	118	0
Streptokokken A (Scharlach) (i)	0	2	1	0	0	0	0	0	1	4	0

Der Prozess der Datenqualitätssicherung und die noch ausstehende Ergebnisse von mikrobiologischen Untersuchungen können zu geringfügigen Änderungen der endgültigen Anzahl von Fällen der meldepflichtigen Krankheiten führen.

(a) Clostridium difficile: Die jahresaggregierte Anzahl von Fällen des *Clostridium difficile*-Nachweises (i.e.) im Stuhl beinhaltet neben den Fällen von schwerer Infektion (letzteres im Sinne der Meldeverpflichtung) auch Fälle von asymptomatischer Kolonisation und milder Infektion (da verpflichtende Arztmeldung nicht immer vorhanden).

(b) Echinokokkose ssp.: Die Fallzahl beinhaltet Echinococcus granulosus, Echinococcus multilocularis und Echinococcus nicht spezifizierbar.

(c) Hepatitis B Virus: beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HBV-Infektion. Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw. erstmalig diagnostiziert" nicht garantiert werden (HBV-Infektion ohne Arztmeldung: n: 171).

(d) Hepatitis C Virus: beinhaltet die neu bzw. erstmalig diagnostizierten Fälle von HCV-Infektion (inkludiert gegenwärtig noch jene Fälle mit HCV-spezifischer Antikörperreaktion ohne Bestätigung durch HCV-RNA Nachweis). Für Meldungen, die derzeit noch mit keiner Arztmeldung versehen sind, kann das Zutreffen des Melde-Kriterium "neu bzw. erstmalig diagnostiziert" nicht garantiert werden (HCV-Infektion ohne Arztmeldung: n: 225).

(e) Mycobacterium tuberculosis complex: maximal mögliche Nachverfolgungszeit beträgt 36 Monate nach Therapiestart.

(f) Transmissible spongiforme Enzephalopathien: es handelt sich bei allen 37 Fällen um sporadische CJK.

(g) Yersinia enterocolitica: bei ausschließlich molekularbiologischer Identifikation von Yersinia spp. kann keine Aussage über Humanpathogenität getroffen werden: n: 18

(h) Norovirus: beinhaltet auch Fälle ohne Beweis eines Zusammenhanges mit dem Verzehr von Lebensmittel

(i) Streptokokken A: laborbestätigter Fall einer Infektion mit pyogenen Streptokokken und Vorliegen des charakteristischen skarlatiniformen Exanthem

*Tödlicher Ausgang innerhalb von 30 Tagen nach Erkrankungsbeginn mit Ausnahme Tuberkulose siehe "f"